# 統計モデリング入門 2019 (g) 階層ベイズモデルと時間変化モデル 久保拓弥 kubo@ees.hokudai.ac.jp 北大環境科学院の講義 http://goo.gl/76c4i 2019-08-06 ファイル更新時刻: 2019-06-07 15:18

この時間で説明したいこと

● 複数ランダム効果の階層ベイズモデル

個体差 + グループ差,など

2 時間変化の階層ベイズモデル

一回だけの変化: "対応のある" (paired) データセット

GLMM is a simplified Hierarchical Bayesian Model



一般化線形混合モデル (Generalized Linear Mixed Model) は階層ベイズモデル のひとつ

• GLMM: (individual differences) + (group differences) +  $\cdots$ 

• HBM: to estimate posterior distributions

1. 複数ランダム効果の階層ベイズモデル

個体差 + グループ差,など

You can not neglect these "differences"

y: number of seeds

複数ランダム効果の階層ペイズモデル 個体差 + グループ差,など seed number data, complicated design



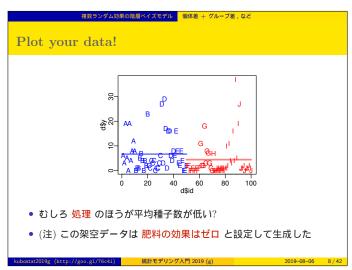
• 肥料をやったら個体ごとの種子数  $y_i$  が増えるかどうかを調べ

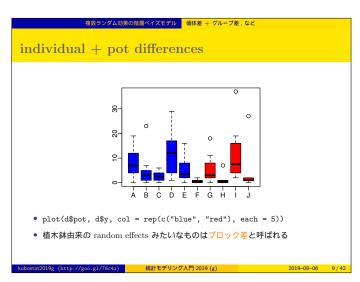
植木鉢 10 個,各鉢に 10 個体の架空植物 (合計 100 個体)

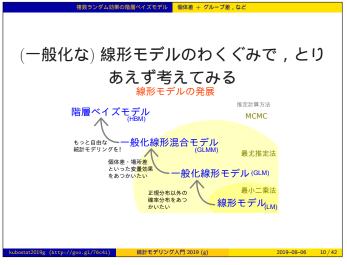
- コントロール (f<sub>j</sub> = C) 5 鉢 (合計 50 個体)
- 肥料をやる処理  $(f_j = \mathbf{T})$  5 鉢 (合計 50 個体)

> d <- read.csv("d1.csv")</pre> • id 列: 個体番号 > head(d)  $\{1, 2, 3, \cdots, 100\}$  $\hbox{id pot } f \quad y$ 1 1 A C 6 • pot 列: 植木鉢名 {A, B, C, A C 3  $\cdots$ , J} 3 3 A C 19 • f 列: 処理: コントロール C, 4 4 A C 5 肥料T 5 5 A C 0 • y 列: 種子数 (応答変数) A C 19

# 

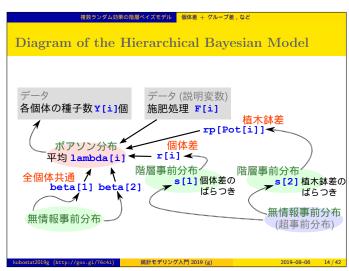


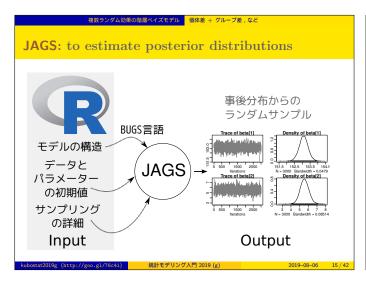




複数ランダム効果の階層ペイズモデル 個体差 + グループ差,など





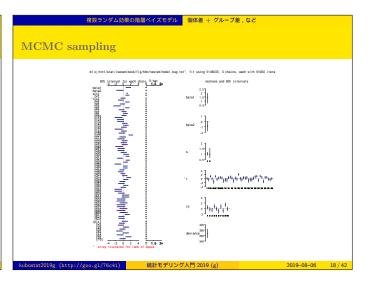


```
個体差 + プロック差のあるポアソン回帰の BUGS code (1) model { for (i in 1:N.sample) { Y[i] ~ dpois(lambda[i]) log(lambda[i]) < a + b * F[i] + r[i] + rp[Pot[i]] } # 次のペイジの事前分布の定義につづく ここでの BUGS coding のポイント  

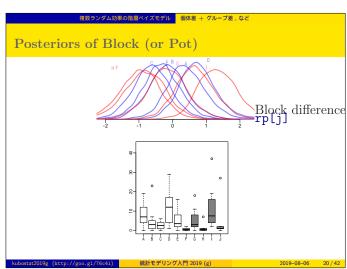
• 因子型の説明変数 f_i \in \{C,T\} は,それぞれ F[i] を 0,1 と置きかえる  
• Pot[i] は 1,2, …,10 と数字になおした植木鉢名をいれておいて,植木鉢の効果 rp[...] を参照させる
```

```
個体差 + ブロック差のあるポアソン回帰の BUGS code (2)

# 前のペイジからのつづき
a ~ dnorm(0, 1.0E-4) # 切片
b ~ dnorm(0, 1.0E-4) # 肥料の効果
for (i in 1:N.sample) {
    r[i] ~ dnorm(0, tau[1]) # 個体差
}
for (j in 1:N.pot) {
    rp[j] ~ dnorm(0, tau[2]) # 植木鉢の差 (ブロック差)
}
for (k in 1:N.tau) {
    tau[k] <- 1.0 / (sigma[k] * sigma[k]) # 個体・植木鉢のばらつき
    sigma[k] ~ dunif(0, 1.0E+4)
}
}
```



#### 複数ランダム効果の階層ペイズモデル 個体差 + グループ差,など Yes! no fertalization effects (b) mean sd 2.5% 25% 50% 75% 97.5% Rh 1.852 2.565 1.0 1.501 0.529 0.482 1.157 1.493 -0.993 0.395 1.0 -1.016 0.706 -2.436 -1.476 -0.565 sigma[1] 1.020 0.114 0.822 0.939 1.014 1.089 1.265 1.00 ...(略)... Example data was generated under "(fertalization effects = 0)"



複数ランダム効果の階層ペイズモデル 個体差 + グループ差,など

### Do not neglect individual and groups differences!

- - random effects つまり 個体差・ブロック差が大 きい
  - random effects の影響が大きいときには, fixed effects の大きさが見えにくくなる— ニセの「効果」 が見えることもあれば, 見えるはずの傾向が隠される ことも
    - 個体差・ブロック差の階層ベイズモデルが必要!
  - もしブロック差を人為的に小さくできないなら,ブロック数をもっと増やして,より正確な植木鉢の効果のばらつきを正確に推定するしかない

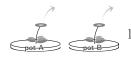
kubostat2019g (http://goo.gl/76c4i)

統計モデリング入門 2019 (g)

2019-08-06 21 / 4

#数ランダム的果の施量ペイスモデル 個体差 + グルーブ差、など differences both in plants and pots 個体差 + 場所差の GLMM I

(A) 個体・植木鉢が反復



個体差も植木鉢差も推定できない

logit $q_i = \beta_1 + \beta_2 x_i$  (GLM)  $q_i$ : 種子の生存確率

(B) 個体は擬似反復,植木鉢は反復



個体差は推定できる 植木鉢差は推定できない

 $logit q_i = \beta_1 + \beta_2 x_i + \frac{r_i}{r_i}$ 

より正確にいうと (A) (B) は個体差と植木鉢差の区別がつかない

kubostat2019g (http://goo.gl/76c4i

統計モデリング入門 2019 (g

019-08-06 22 / 4

数ランダム効果の階層ペイズモデル 個体差 + グループ差,な

個体差 + 場所差の GLMM II

1411 ± 1 2/11 ± 10 11 11 11

(C) 個体は反復,植木鉢は擬似反復



個体差は推定できない 植木鉢差は推定できる

 $logit q_i = \beta_1 + \beta_2 x_i + r_i$ 

(D) 個体・植木鉢が擬似反復



個体差も植木鉢差も 推定できる

 $logit q_i = \beta_1 + \beta_2 x_i + r_i + r_j$ 

複雑なモデルほど最尤推定は困難,しかも多くのデータが必要

複数ランダム効果の階層ペイズモデル 個体差 + グループ差,など

## GLMM は階層ベイズモデル (HBM) で!

- 現実のデータ解析では個体差・場所差の効果を統計モデルに組みこまなければならない
- これらは歴史的には random effects とよばれてきた
- 用語の整理: 統計モデルには global parameter と local parameter があると考えればよい
- GLMM では global parameter を最尤推定する— local parameter は積分して消す
- local parameter が増えると (e.g. 個体差 + 場所差) 最尤推定が難し い → 階層ベイズモデル (Hierarchical Bayesian Model) で事後分布 (posterior) 推定!

bostat2019g (http://goo.gl/76c4i)

統計モデリング入門 2019 (

019-08-06 24 / 42

