

統計モデリングの基礎 (2)  
GLM の階層ベイズモデル化

久保拓弥 kubo@ees.hokudai.ac.jp  
生態学基礎論  
2018-01-23  
ファイルのダウンロード: <http://goo.gl/76c4i>  
ファイル更新時刻: 2018-12-12 15:30

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 1 / 81

statisticaal models appeared in the class  
“統計モデリング入門”に登場する統計モデル

線形モデルの発展

推定計算方法 MCMC

階層ベイズモデル (HBM)  
もっと自由な統計モデリングを!

一般化線形混合モデル (GLMM)  
個体差・場所差といった変量効果をつかみたい

一般化線形モデル (GLM)  
正規分布以外の確率分布をつかみたい

線形モデル  
最小二乗法

データの特徴にあわせて線形モデルを改良・発展させる

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 2 / 81

statisticaal models appeared in the class  
この講義であつかう統計モデル

The development of Linear models

Hierarchical Bayesian Model  
Be more flexible

Generalized Linear Mixed Model (GLMM)  
Incorporating random effects such as individuality

Generalized Linear Model (GLM)  
Always normal distribution? That's non-sense!

Linear model  
MLE  
parameter estimation MCMC  
MSE

“See the evolution of linear-model family!”

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 3 / 81

もくじ

### この時間に説明したいこと

- ① MCMC サンプリングのための例題  
A simple example for applying binomial distribution
- ② 同じ推定を MCMC でやってみる  
“Sampling” using Monte Carlo Markov Chain method
- ③ MCMC のためのソフトウェア  
How to “sample” from posterior distribution
- ④ GLM を階層ベイズモデル化する!  
How to design hierarchical models
- ⑤ 階層ベイズモデルの推定  
How to use JAGS sampler?
- ⑥ 複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル  
individual effects + block effects

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 4 / 81

MCMC サンプリングのための例題 A simple example for applying binomial distribution

### 1. MCMC サンプリングのための例題

A simple example for applying binomial distribution

二項分布のパラメーターを最尤推定 (さっきと同じ例題)

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 5 / 81

MCMC サンプリングのための例題 A simple example for applying binomial distribution

a simple example  
簡単すぎる例題: 生存確率は全個体で同じ（「個体差」なし）

個体ごとの生存数	0	1	2	3	4	5	6	7	8
観察された個体数	1	2	1	3	6	6	1	0	0

観察された植物の個体数  
生存していた種子数  $y_i$

これは個体差なしの均質な集団

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 6 / 81

MCMC サンプリングのための例題 A simple example for applying binomial distribution  
binomial distribution  
生存確率  $q$  と二項分布の関係

- 生存確率を推定するために二項分布という確率分布を使う
- 個体  $i$  の  $N_i$  種子中  $y_i$  個が生存する確率

$$p(y_i | q) = \binom{N_i}{y_i} q^{y_i} (1-q)^{N_i-y_i},$$

- ここで仮定していること
  - 個体差はない
  - つまりすべての個体で同じ生存確率  $q$

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 7 / 81

MCMC サンプリングのための例題 A simple example for applying binomial distribution  
maximum likelihood estimation for binomial distribution  
二項分布を使った統計モデルの最尤推定 (MLE)

- 対数尤度  $L(q | データ)$  が最大になるパラメーター  $q$  の値をさがしたこと
- 対数尤度  $\log L(q | データ)$  を  $q$  で偏微分して 0 となる  $\hat{q}$  が対数尤度最大  $\partial \log L(q | データ) / \partial q = 0$
- 生存確率  $q$  が全個体共通の場合の最尤推定量・最尤推定値は

$$\hat{q} = \frac{\text{生存種子数}}{\text{調査種子数}} = \frac{73}{160} = 0.456 \text{ ぐらい}$$

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 8 / 81

MCMC サンプリングのための例題 A simple example for applying binomial distribution  
二項分布で説明できる 8 種子中  $y_i$  個の生存

$\hat{q} = 0.46$  なので  $\binom{8}{y_i} 0.46^y 0.54^{8-y}$

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 9 / 81

同じ推定を MCMC でやってみる "Sampling" using Monte Carlo Markov Chain method

## 2. 同じ推定を MCMC でやってみる

"Sampling" using Monte Carlo Markov Chain method

最尤推定と MCMC はちがう!

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 10 / 81

同じ推定を MCMC でやってみる "Sampling" using Monte Carlo Markov Chain method  
Maximum likelihood Estimation (MLE) vs. MCMC  
ここでやること: 尤度と MCMC の関係を考える

- さきほどの簡単な例題(生存確率)のデータ解析を
- 最尤推定ではなく
- Markov chain Monte Carlo (MCMC) 法のひとつであるメトロポリス法 (Metropolis method) であつかう
- 得られる結果: 「パラメーターの値の分布」.....??

MCMC をもちださなくともいい簡単すぎる問題  
説明のためあえてメトロポリス法を適用してみる

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 11 / 81

同じ推定を MCMC でやってみる "Sampling" using Monte Carlo Markov Chain method  
An example for MCMC  
MCMC 法を説明するための例題

連続的な対数尤度関数  $\log L(q)$

離散化:  $q$  がとびとびの値をとる

説明を簡単にするため  
生存確率  $q$  の軸を離散化する  
(実際には離散化する必要などない)

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 12 / 81

同じ推定を MCMC でやってみる "Sampling" using Monte Carlo Markov Chain method

## 試行錯誤による $q$ の最尤推定値の探索

### ちょっと効率の悪い「試行錯誤の最尤推定」

①  $q$  の値の「行き先」を「両隣」どちらかにランダムに決める  
 ② 「行き先」が現在の尤度より高ければ、 $q$  の値をそちらに変更  
 ③ 尤度が変化しなくなるまで (1), (2) をくりかえす

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 13 / 81

同じ推定を MCMC でやってみる "Sampling" using Monte Carlo Markov Chain method

## メトロポリス法のルール: この例題の場合

- パラメーター  $q$  の初期値を選ぶ  
(ここでは  $q$  の初期値が 0.3)
- $q$  を増やすか減らすかをランダムに決める  
(新しく選んだ  $q$  の値を  $q_{\text{new}}$  としましょう)
- $q_{\text{new}}$  における尤度  $L(q_{\text{new}})$  ともとの尤度  $L(q)$  を比較
  - $L(q_{\text{new}}) \geq L(q)$  (あてはまり改善):  $q \leftarrow q_{\text{new}}$
  - $L(q_{\text{new}}) < L(q)$  (あてはまり改悪):
    - 確率  $r = L(q_{\text{new}})/L(q)$  で  $q \leftarrow q_{\text{new}}$
    - 確率  $1 - r$  で  $q$  を変更しない
- 手順 2. にもどる  
( $q = 0.01$  や  $q = 0.99$  でどうなるんだ、といった問題は省略)

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 14 / 81

同じ推定を MCMC でやってみる "Sampling" using Monte Carlo Markov Chain method

## メトロポリス法のルールで $q$ を動かす

### 最尤推定法 vs メトロポリス法 (MCMC)

メトロポリス法だと「単調な山のぼり」にはならない

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 15 / 81

同じ推定を MCMC でやってみる "Sampling" using Monte Carlo Markov Chain method

## 対数尤度関数の「山」でうろうろする $q$ の値

### メトロポリス法 (そして一般的 MCMC) は最適化ではない

ときどきはでに落っこちる  
何のためにこんなことをやるのか?  
 $q$  の変化していく様子を記録してみよう

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 16 / 81

同じ推定を MCMC でやってみる "Sampling" using Monte Carlo Markov Chain method

## ステップごとに $q$ の値をサンプリング

この曲線、何の分布?  
サンプルされた  $q$  のヒストグラム

もっと試行錯誤してみたほうがいいのかな?

MCMC 試行錯誤の回数

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 17 / 81

同じ推定を MCMC でやってみる "Sampling" using Monte Carlo Markov Chain method

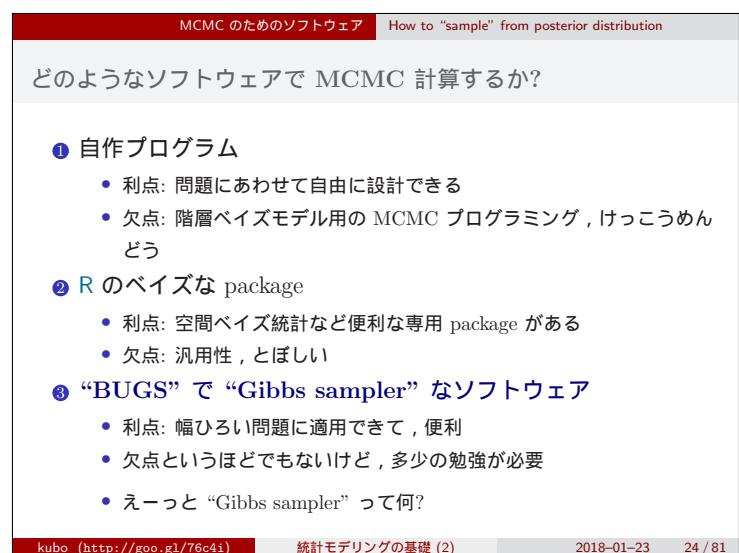
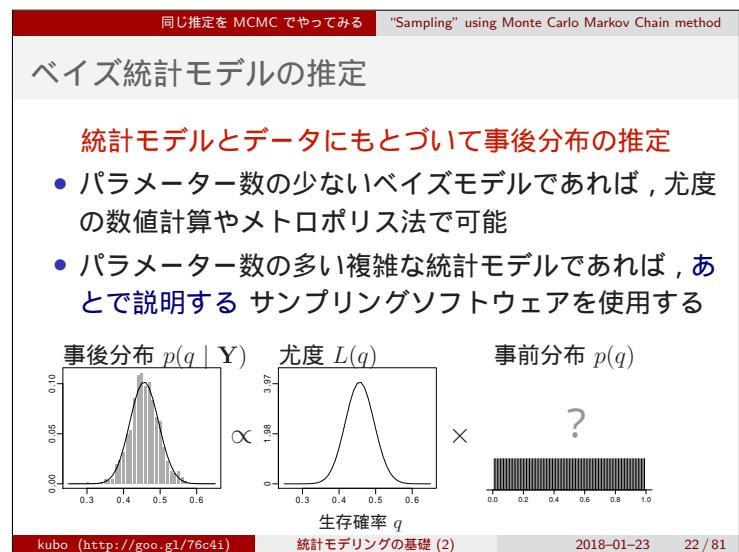
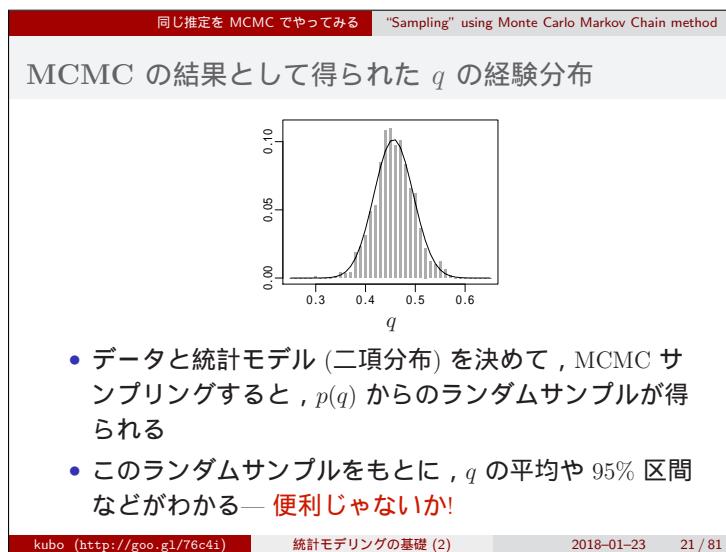
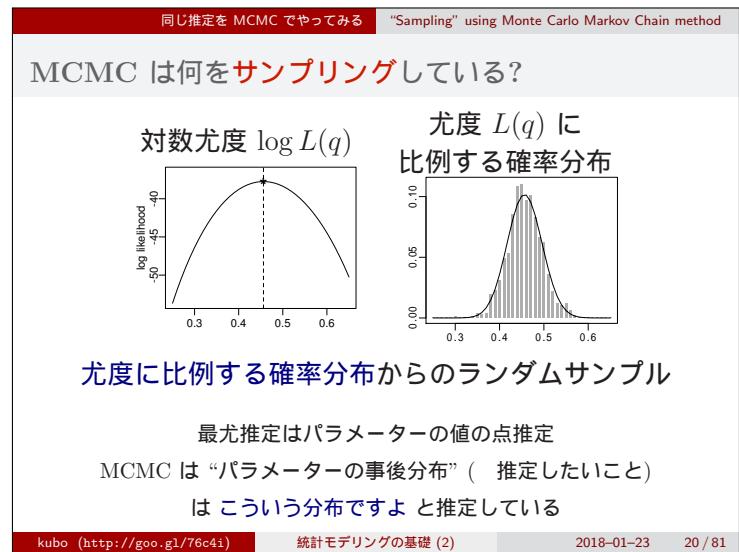
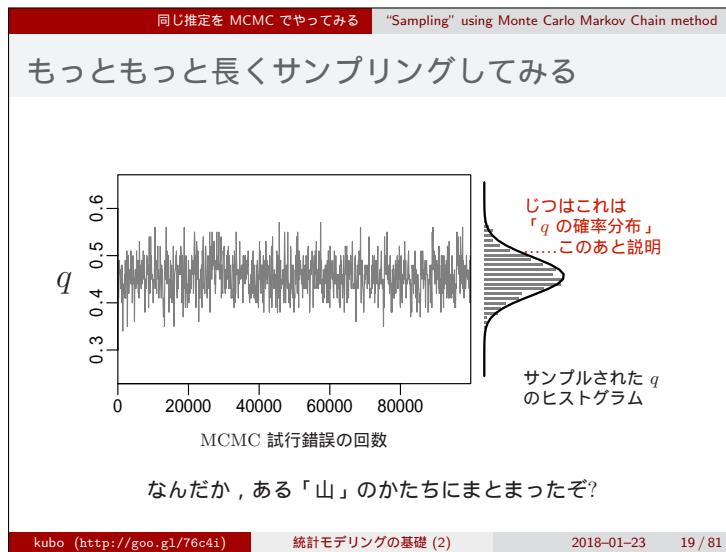
## もっと長くサンプリングしてみる

この曲線、何の分布?  
サンプルされた  $q$  のヒストグラム

まだまだ.....?

MCMC 試行錯誤の回数

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 18 / 81



MCMC のためのソフトウェア | How to "sample" from posterior distribution

## さまざまな MCMC アルゴリズム

### いろいろな MCMC

- **メトロポリス法**: 試行錯誤で値を変化させていく MCMC
  - メトロポリス・ヘイスティングス法: その改良版
- **ギブス・サンプリング**: 条件つき確率分布を使った MCMC
  - 複数の変数 (パラメーター・状態) を効率よくサンプリング

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 25 / 81

MCMC のためのソフトウェア | How to "sample" from posterior distribution

## Gibbs sampling とは何か?

- MCMC アルゴリズムのひとつ
- 複数のパラメーターの MCMC サンプリングに使う
- 例: パラメーター  $\beta_1$  と  $\beta_2$  の Gibbs sampling
  - $\beta_2$  に何か適当な値を与える
  - $\beta_2$  の値はそのままにして、その条件のもとでの  $\beta_1$  の MCMC sampling をする (条件つき事後分布)
  - $\beta_1$  の値はそのままにして、その条件のもとでの  $\beta_2$  の MCMC sampling をする (条件つき事後分布)
  - ④ 2. - 3. をくりかえす
- 教科書の第 9 章の例題で説明

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 26 / 81

MCMC のためのソフトウェア | How to "sample" from posterior distribution

## 図解: Gibbs sampling (統計モデリング入門の第 9 章)

MCMC  $\beta_1$  のサンプリング  $\beta_2$  のサンプリング

step 1 → step 2 → step 3 → ...

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 27 / 81

MCMC のためのソフトウェア | How to "sample" from posterior distribution

## 便利な “BUGS” 汎用 Gibbs sampler たち

- BUGS 言語 (+ っぽいもの) でベイズモデルを記述できるソフトウェア
  - WinBUGS — 歴史を変えて……さようなら?
  - OpenBUGS — 預算が足りなくて停滞?
  - JAGS — お手軽で良い、どんな OS でも動く
  - Stan — いま一番の注目
    - 今日は紹介しませんが ……
  - リンク集: <http://hosho.ees.hokudai.ac.jp/~kubo/ce/BayesianMcmc.html>

えーと……BUGS 言語って何?

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 28 / 81

MCMC のためのソフトウェア | How to "sample" from posterior distribution

## このベイズモデルを BUGS 言語で記述したい

データ  $Y[i]$   
種子数8個のうちの生存数

二項分布  
 $dbin(q, 8)$

生存確率  $q$   
無情報事前分布

BUGS 言語コード

```
for (i in 1:N.sample) {
  Y[i] ~ dbin(q, 8)
}
q ~ dunif(0.0, 1.0)
```

矢印は手順ではなく、依存関係をあらわしている  
BUGS 言語: ベイズモデルを記述する言語

Spiegelhalter et al. 1995. BUGS: Bayesian Using Gibbs Sampling version 0.50.

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 29 / 81

MCMC のためのソフトウェア | How to "sample" from posterior distribution

## いろいろな OS で使える JAGS4.2.0

- R core team のひとり Martyn Plummer さんが開発
  - Just Another Gibbs Sampler
- C++ で実装されている
  - R がインストールされていることが必要
- Linux, Windows, Mac OS X バイナリ版もある
- 開発進行中
- R からの使う: `library(rjags)`

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 30 / 81

MCMC のためのソフトウェア How to "sample" from posterior distribution

## JAGS を R の“したうけ”として使う

モデルの構造  
データとパラメーターの初期値  
サンプリングの詳細  
Input

BUGS言語

JAGS

Output

事後分布からのランダムサンプル

Trace of beta[1]  
Iterations: 0 to 2500  
N = 3000, Bandwidth = 0.0479

Density of beta[1]

Trace of beta[2]  
Iterations: 0 to 2500  
N = 3000, Bandwidth = 0.08514

Density of beta[2]

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 31 / 81

MCMC のためのソフトウェア How to "sample" from posterior distribution

## R から JAGS にこななかんじで仕事を命じる (1 / 3)

```
library(rjags)
library(R2WinBUGS) # to use write.model()

model.bugs <- function()
{
  for (i in 1:N.data) {
    Y[i] ~ dbin(q, 8) # 二項分布にしたがう
  }
  q ~ dunif(0.0, 1.0) # q の事前分布は一様分布
}

file.model <- "model.bug.txt"
write.model(model.bugs, file.model) # ファイル出力

# 次につづく.....

```

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 32 / 81

MCMC のためのソフトウェア How to "sample" from posterior distribution

## R から JAGS にこななかんじで仕事を命じる (2 / 3)

```
load("mcmc.RData") # (data.RData ではなく mcmc.RData!!)
list.data <- list(Y = data, N.data = length(data))
inits <- list(q = 0.5)
n.burnin <- 1000
n.chain <- 3
n.thin <- 1
n.iter <- n.thin * 1000

model <- jags.model(
  file = file.model, data = list.data,
  inits = inits, n.chain = n.chain
)

# まだ次につづく.....

```

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 33 / 81

MCMC のためのソフトウェア How to "sample" from posterior distribution

## R から JAGS にこななかんじで仕事を命じる (3 / 3)

```
# burn-in
update(model, n.burnin) # burn in

# サンプリング結果を post.mcmc.list に格納
post.mcmc.list <- coda.samples(
  model = model,
  variable.names = names(inits),
  n.iter = n.iter,
  thin = n.thin
)
# おわり
```

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 34 / 81

MCMC のためのソフトウェア How to "sample" from posterior distribution

## burn in って何? → 「使いたくない」長さの指定

サンプルされた値

MCMC step 数

定常分布

定常分布の推定に使いたくない?  
使ってみる?

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 35 / 81

MCMC のためのソフトウェア How to "sample" from posterior distribution

## 試行間で差がないかを「診断」する

$R = 1.019$  の MCMC サンプル chain 3  
chain 2  
chain 1

$R = 2.520$  の MCMC サンプル

まあ、いいかな.....

何やら問題あり!

MCMC step 数

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 36 / 81

MCMC のためのソフトウェア | How to "sample" from posterior distribution

## 収束診断の $\hat{R}$ 指数

- `gelman.diag(post.mcmc.list)` → 実演表示
- R-hat は Gelman-Rubin の収束判定用の指標
  - $\hat{R} = \sqrt{\frac{\hat{v}\sigma^2(\psi|y)}{W}}$
  - $\hat{v}\sigma^2(\psi|y) = \frac{n-1}{n}W + \frac{1}{n}B$
  - W : サンプル列内の variance の平均
  - B : サンプル列間の variance
- Gelman et al. 2004. Bayesian Data Analysis. Chapman & Hall/CRC

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 37 / 81

MCMC のためのソフトウェア | How to "sample" from posterior distribution

## Gibbs sampling → 事後分布の推定

- `plot(post.mcmc.list)`

Trace of q      Density of q

Iterations      N = 1000 Bandwidth = 0.0083

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 38 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! | How to design hierarchical models

## 4. GLM を階層ベイズモデル化する!

How to design hierarchical models

個体差・地域差も考慮した統計モデル作り

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 39 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! | How to design hierarchical models

## 二項分布では説明できない観測データ!

100 個体の植物の合計 800 種子中 403 個の生存が見られたので、平均生存確率は 0.50 と推定されたが……

観察された植物の個体数

生存した種子数  $y_i$

二項分布による予測

せんぜんうまく表現できてない!

さっきの例題と同じようなデータなのに?  
(「統計モデリング入門」第 10 章の最初の例題)

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 40 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! | How to design hierarchical models

## 個体差 → 過分散 (overdispersion)

極端な過分散の例

観察された植物の個体数

• 種子全体の平均生存確率は 0.5 ぐらいかもしれないが……

• 植物個体ごとに種子の生存確率が異なる: 「個体差」

• 「個体差」があると overdispersion が生じる

• 「個体差」の原因は観測できない・観測されていない

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 41 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! | How to design hierarchical models

## モデリングやりなおし: 個体差を考慮する

- 生存確率を推定するために **二項分布**という確率分布を使う
- 個体  $i$  の  $N_i$  種子中  $y_i$  個が生存する確率は二項分布

$$p(y_i | q_i) = \binom{N_i}{y_i} q_i^{y_i} (1 - q_i)^{N_i - y_i},$$

- ここで仮定していること
  - **個体差がある**ので個体ごとに生存確率  $q_i$  が異なる

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 42 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! How to design hierarchical models

GLM わざ: ロジスティック関数で表現する生存確率

- 生存確率  $q_i = q(z_i)$  をロジスティック関数  $q(z) = 1/\{1 + \exp(-z)\}$  で表現

- 線形予測子  $z_i = a + r_i$  とする
  - パラメーター  $a$ : 全体の平均
  - パラメーター  $r_i$ : 個体  $i$  の個体差 (ずれ)

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 43 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! How to design hierarchical models

個々の個体差  $r_i$  を最尤推定するのはまずい

パラメーター数 > サンプルサイズ

- 100 個体の生存確率を推定するためにパラメーター 101 個 ( $a$  と  $\{r_1, r_2, \dots, r_{100}\}$ ) を推定すると……
- 個体ごとに生存数 / 種子数を計算していることと同じ! (「データのよみあげ」と同じ)

そこで、次のように考えてみる

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 44 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! How to design hierarchical models

suppose  $\{r_i\}$  follow the Gaussian distribution  
 $\{r_i\}$  のばらつきは正規分布だと考えてみる

$$p(r_i | s) = \frac{1}{\sqrt{2\pi s^2}} \exp\left(-\frac{r_i^2}{2s^2}\right)$$

この確率密度  $p(r_i | s)$  は  $r_i$  の「出現しやすさ」をあらわしていると解釈すればよいでしょう。 $r_i$  がゼロにちかい個体はわりと「ありがち」で、 $r_i$  の絶対値が大きな個体は相対的に「あまりいない」。

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 45 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! How to design hierarchical models

ひとつの例示: 個体差  $r_i$  の分布と過分散の関係

(A) 個体差のばらつきが小さい場合 (B) 個体差のばらつきが大きい場合

$s = 0.5$   $p(r_i | s)$  が生成した 50 個体ぶんの  $\{r_i\}$

$s = 3.0$

確率  $q_i = \frac{1}{1+\exp(-r_i)}$  の二項乱数を発生させる

標本分散 2.9  $p(y_i | q_i)$  が生成した生存種子数の一例

標本分散 9.9

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 46 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! How to design hierarchical models

これは  $r_i$  の事前分布の指定、ということ

前回の講義で  $\{r_i\}$  は正規分布にしたがうと仮定したが  
 ベイズ統計モデリングでは「100 個の  $r_i$  たち」  
 共通する事前分布として正規分布を指定した」ということになる

$$p(r_i | s) = \frac{1}{\sqrt{2\pi s^2}} \exp\left(-\frac{r_i^2}{2s^2}\right)$$

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 47 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! How to design hierarchical models

ベイズ統計モデルでよく使われる三種類の事前分布

たいていのベイズ統計モデルでは、ひとつのモデルの中で複数の種類の事前分布を混ぜて使用する。

(A) 主観的な事前分布 (できれば使いたくない!)

信じる!

(B) 無情報事前分布

わからない?

(C) 階層事前分布

$s$  によって変わる…

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 48 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! How to design hierarchical models

### $r_i$ の事前分布として階層事前分布を指定する

階層事前分布の利点  
「データにあわせて」事前分布が変形!

$$p(r_i | s) = \frac{1}{\sqrt{2\pi}s^2} \exp\left(-\frac{r_i^2}{2s^2}\right)$$

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 49 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! How to design hierarchical models

### 統計モデルの大域的・局所的なパラメーター

データのどの部分を説明しているのか?

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 50 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! How to design hierarchical models

### パラメーターごとに適切な事前分布を選ぶ

(B) 無情報事前分布 (C) 階層事前分布

パラメーターの種類	説明する範囲	事前分布
全体に共通する平均・ばらつき	global 大域的	無情報事前分布
個体・グループごとのずれ	local 局所的	階層事前分布

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 51 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! How to design hierarchical models

### 個体差 $\{r_i\}$ のばらつき $s$ の無情報事前分布

- $s$  はどのような値をとってもかまわない
- そこで  $s$  の事前分布は 無情報事前分布 (non-informative prior) とする
- たとえば一様分布, ここでは  $0 < s < 10^4$  の一様分布としてみる

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 52 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! How to design hierarchical models

### 全個体の「切片」 $a$ の無情報事前分布

「生存確率の (logit) 平均  $a$  は何でもよい」と表現している

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 53 / 81

GLM を階層ベイズモデル化する! How to design hierarchical models

### 階層ベイズモデル: 事前分布の階層性

超事前分布 → 事前分布という階層があるから  
データ 種子8個のうち  $Y[i]$  が生存

二項分布 生存確率  $q[i]$  ←  $r[i]$  ← 植物の個体差  
全個体共通の「平均」  $a$  ← 無情報事前分布  
事前分布 hyper  $S$  個体差のばらつき ← 無情報事前分布 (超事前分布)

矢印は手順ではなく、依存関係をあらわしている

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 54 / 81

階層ベイズモデルの推定 | How to use JAGS sampler?

## 5. 階層ベイズモデルの推定

How to use JAGS sampler?

R の “したうけ” として JAGS を使う

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 55 / 81

階層ベイズモデルの推定 | How to use JAGS sampler?

## 階層ベイズモデルを BUGS コードで記述する

```
model
{
  for (i in 1:N.data) {
    Y[i] ~ dbin(q[i], 8)
    logit(q[i]) <- a + r[i]
  }
  a ~ dnorm(0, 1.0E-4)
  for (i in 1:N.data) {
    r[i] ~ dnorm(0, tau)
  }
  tau <- 1 / (s * s)
  s ~ dunif(0, 1.0E+4)
}
```

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 56 / 81

階層ベイズモデルの推定 | How to use JAGS sampler?

## JAGS で得られた事後分布サンプルの要約

```
> source("mcmc.list2bugs.R")      # なんとなく便利なので...
> post.bugs <- mcmc.list2bugs(post.mcmc.list) # bugs クラスに変換
```

3 chains, each with 4000 iterations (first 2000 discarded)  
medians and 80% intervals

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 57 / 81

階層ベイズモデルの推定 | How to use JAGS sampler?

## bugs オブジェクトの post.bugs を調べる

- print(post.bugs, digits.summary = 3)
- 事後分布の 95% 信頼区間などが表示される

```
3 chains, each with 4000 iterations (first 2000 discarded), n.thin = 2
n.sims = 3000 iterations saved
      mean   sd  2.5%  25%  50%  75% 97.5% Rhat n.eff
a     0.020 0.321 -0.618 -0.190  0.028  0.236  0.651  1.007   380
s     3.015 0.359  2.406  2.757  2.990  3.235  3.749  1.002  1200
r[1]  -3.778 1.713 -7.619 -4.763 -3.524 -2.568 -1.062  1.001  3000
r[2]  -1.147 0.885 -2.997 -1.700 -1.118 -0.531  0.464  1.001  3000
r[3]   2.014 1.074  0.203  1.282  1.923  2.648  4.410  1.001  3000
r[4]   3.765 1.722  0.998  2.533  3.558  4.840  7.592  1.001  3000
r[5]  -2.108 1.111 -4.480 -2.775 -2.047 -1.342 -0.164  1.001  2300
... (中略)
r[99]  2.054 1.103  0.184  1.270  1.996  2.716  4.414  1.001  3000
r[100] -3.828 1.766 -7.993 -4.829 -3.544 -2.588 -1.082  1.002  1100
```

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 58 / 81

階層ベイズモデルの推定 | How to use JAGS sampler?

## 各パラメーターの事後分布サンプルを R で調べる

Trace of a  
Iterations  
Density of a  
N = 1000 Bandwidth = 0.06795

Trace of s  
Iterations  
Density of s  
N = 1000 Bandwidth = 0.07627

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 59 / 81

階層ベイズモデルの推定 | How to use JAGS sampler?

## 得られた事後分布サンプルを組みあわせて予測

- post.mcmc <- to.mcmc(post.bugs)
- これは matrix と同じようにあつかえるので、作図に便利
- ……このあとごちゃごちゃと計算する必要あるけど、省略.....

観察された植物の個体数  
生存していた種子数

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 60 / 81

階層ベイズモデルの推定 How to use JAGS sampler?

statisticaal models appeared in the class  
“統計モデリング入門”に登場する統計モデル

線形モデルの発展

階層ベイズモデル (HBM)  
もっと自由な統計モデリングを!

一般化線形混合モデル (GLMM)  
個体差・場所差といった変量効果をあつかいたい

一般化線形モデル (GLM)  
正規分布以外の確率分布をあつかいたい

線形モデル  
最小二乗法

データの特徴にあわせて線形モデルを改良・発展させる

推定計算方法 MCMC  
最尤推定法

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 61 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

## 6. 複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル

individual effects + block effects

そして“てぬき”モデリングの危なさについて

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 62 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

### 架空植物の例題: またまた種子数データ

- 肥料をやったら個体ごとの種子数  $y_i$  が増えるかどうかを調べたい
- 植木鉢 10 個、各鉢に 10 個体の架空植物 (合計 100 個体)
  - コントロール ( $f_j = \text{C}$ ) 5 鉢 (合計 50 個体)
  - 肥料をやる処理 ( $f_j = \text{T}$ ) 5 鉢 (合計 50 個体)

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 63 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

### このへんてこな例題、言い換えると……？

- 教育法をやったら児童ごとの算数の得点  $y_i$  が増えるかどうかを調べたい
- 小学校 10 校、各校に 10 人の児童に算数のテスト (合計 100 児童)
  - コントロール ( $f_j = \text{C}$ ) 5 校 (合計 50 児童)
  - 教育法実施 ( $f_j = \text{T}$ ) 5 校 (合計 50 児童)

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 64 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

### データはこのように格納されている

```
> d <- read.csv("d1.csv")
> head(d)
  id pot f   y
1  1   A  C  6
2  2   A  C  3
3  3   A  C 19
4  4   A  C  5
5  5   A  C  0
6  6   A  C 19
```

- id 列: 個体番号 {1, 2, 3, ..., 100}
- pot 列: 植木鉢名 {A, B, C, ..., J}
- f 列: 処理: コントロール C, 肥料 T
- y 列: 種子数 (応答変数)

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 65 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

### データはとにかく図示する!!

```
• plot(d$id, d$y, pch = as.character(d$pot), ...)
• コントロール・処理 でそんなに差がない?
```

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 66 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

### 処理ごとの平均も図に追加してみる

- むしろ 処理 のほうが平均種子数が低い?
- (注) この架空データは 肥料の効果はゼロと設定して生成した

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 67 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

### 個体差だけでなく植木鉢差もありそう?

- `plot(d$pot, d$y, col = rep(c("blue", "red"), each = 5))`
- 植木鉢由来の random effects みたいなものは ブロック差 と呼ばれる

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 68 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

### (一般化な) 線形モデルのわくぐみで、とりあえず考えてみる 線形モデルの発展

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 69 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

### GLM: 個体差もブロック差も無視

```
> summary(glm(y ~ f, data = d, family = poisson))
...
Coefficients:
            Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
(Intercept)  1.8931    0.0549   34.49 < 2e-16
fT          -0.4115    0.0869   -4.73  2.2e-06
...

```

- 肥料をやる処理 (f) をすると、平均種子数が下がる?
- AIC でモデル選択しても同じような結果に

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 70 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

### GLMM: 個体差だけ考慮、ブロック差は無視

```
> library(glmmML)
> summary(glmmML(y ~ f, data = d, family = poisson,
+ cluster = id))
...
coef  se(coef)     z Pr(>|z|)
(Intercept) 1.351    0.192  7.05  1.8e-12
fT          -0.737    0.280 -2.63  8.4e-03
...

```

- やっぱり同じ?
- むしろ肥料処理の悪影響が強い?

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 71 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

### 統計モデルが不適切 → まちがった「ゆーい差」!

- “個体差はないことにする”, “植木鉢差はないことにする”
- こういう手ぬきな統計モデルを使うと “まちがった「ゆーい差」” が output
- 図をよくみると “ないこと” にしない

しかし、複数の ランダム効果 をもつ  
統計モデルのパラメーター推定は 難しい!

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 72 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

## “Rだけ”では無理! Use JAGS!

- RにはいろいろなGLMMの最尤推定関数が準備されている……
  - library(glmmML) の glmmML()
  - library(lme4) の lmer()
  - library(nlme) の nlme() (正規分布のみ)
- しかしもうちょっと複雑なGLMM、たとえば個体差+地域差をいれた統計モデルの最尤推定はかなり難しい(ヘンな結果が得られたりする)
- 積分がたくさん入っている尤度関数の評価がしんどい

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 73 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

## 個体差+プロック差を考える階層ベイズモデル

- ここではlogリンク関数を使う
- 平均の対数  $\log(\lambda_i) = a + b f_i + \text{(個体差)} + \text{(プロック差)}$
- 事前分布の設定
  - 切片  $a$  と  $f_i$  の係数  $b$  は無情報事前分布(すごく平らな正規分布)
  - 個体差とプロック差は階層的な事前分布(それぞれ標準偏差  $\sigma_1, \sigma_2$  の正規分布、平均はゼロ)
  - 標準偏差  $\sigma_*$  は無情報事前分布([0, 10<sup>4</sup>]の一様分布)

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 74 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

## 植木鉢問題の階層ベイズモデルの図示

データ 各個体の種子数  $Y[i]$  個  
データ(説明変数)  
施肥処理  $F[i]$   
植木鉢差  $rp[Pot[i]]$   
個体差  $r[i]$   
ポアソン分布 平均  $\lambda[i]$   
全個体共通  $\beta[1] \ \beta[2]$   
階層事前分布  $s[1]$  個体差のばらつき  
無情報事前分布 (超事前分布)  
階層事前分布  $s[2]$  植木鉢差のばらつき

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 75 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

## 個体差+プロック差のあるポアソン回帰のBUGS code (1)

```
model
{
  for (i in 1:N.sample) {
    Y[i] ~ dpois(lambda[i])
    log(lambda[i]) <- a + b * F[i] + r[i] + rp[Pot[i]]
  }
  # 次のページの事前分布の定義につづく
}
```

ここでBUGS codingのポイント

- 因子型の説明変数  $f_i \in \{C, T\}$  は、それぞれ  $F[i]$  を 0, 1 と置きかえる
- $Pot[i]$  は 1, 2, ..., 10 と数字になおした植木鉢名をいれておいて、植木鉢の効果  $rp[\dots]$  を参照させる

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 76 / 81

複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

## 個体差+プロック差のあるポアソン回帰のBUGS code (2)

```
# 前のページからのつづき
a ~ dnorm(0, 1.0E-4) # 切片
b ~ dnorm(0, 1.0E-4) # 肥料の効果
for (i in 1:N.sample) {
  r[i] ~ dnorm(0, tau[1]) # 個体差
}
for (j in 1:N.pot) {
  rp[j] ~ dnorm(0, tau[2]) # 植木鉢の差(プロック差)
}
for (k in 1:N.tau) {
  tau[k] <- 1.0 / (sigma[k] * sigma[k]) # 個体・植木鉢のばらつき
  sigma[k] ~ dunif(0, 1.0E+4)
}
... (略) ...
```

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 77 / 81

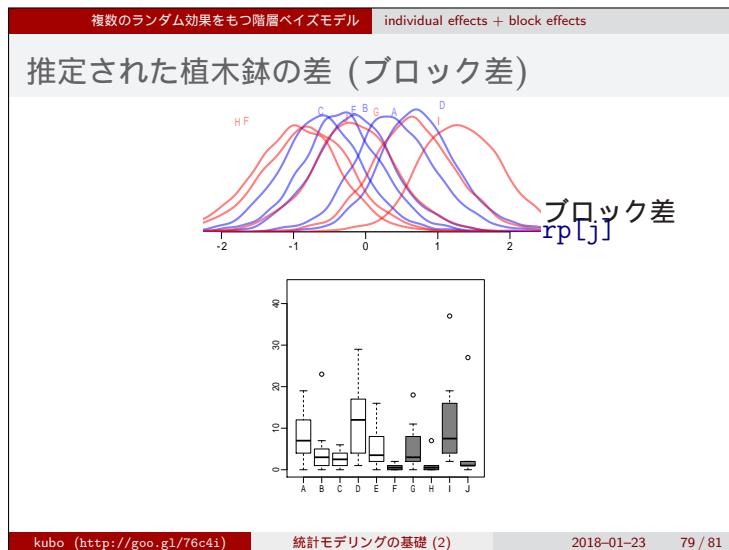
複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

## 肥料の効果(パラメーター $b$ )はなさそう?

	mean	sd	2.5%	25%	50%	75%	97.5%	Rhat
a	1.501	0.529	0.482	1.157	1.493	1.852	2.565	1.0
b	-1.016	0.706	-2.436	-1.476	-0.993	-0.565	0.395	1.0
sigma[1]	1.020	0.114	0.822	0.939	1.014	1.089	1.265	1.0

この架空データを生成した種子数シミュレーションでは、肥料の効果はまったく無いと設定していた

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 78 / 81



複数のランダム効果をもつ階層ベイズモデル individual effects + block effects

### 統計モデリングの手ぬきは危険!

- random effects つまり 個体差・ブロック差が大きい
- random effects の影響が大きいときには, fixed effects の大きさが見えにくくなる—ニセの「効果」が見えることもあるれば、見えるはずの傾向が隠されることも
  - 個体差・ブロック差の階層ベイズモデルが必要!
- もしブロック差を人為的に小さくできないなら、ブロック数をもっと増やして、より正確な植木鉢の効果のばらつきを正確に推定するしかない

kubo (<http://goo.gl/76c4i>) 統計モデリングの基礎 (2) 2018-01-23 80 / 81

